**「統合データベース講習会：AJACS」  
受入れ機関応募フォーム**

2019年度「統合データベース講習会：AJACS」受入れ機関に応募される方は、

必ず「『統合データベース講習会：AJACS』受入れ機関の募集についてよくある質問」（<https://events.biosciencedbc.jp/training/application/faq>）に目を通してください。

下記の**すべての項目**にご記入のうえ、個人情報の取り扱いについてをご一読いただき、  
件名を**「2019年度AJACS受入れ機関応募」**として、  
メールにて「統合データベース講習会」事務局までお送りください。

応募後1営業日以内に事務局からの応募完了メールが届かない場合は、  
事務局までご連絡ください。

## 「統合データベース講習会」事務局

〒102-8666 東京都千代田区四番町5－3

国立研究開発法人科学技術振興機構　バイオサイエンスデータベースセンター内

E-mail： [AJACS@biosciencedbc.jp](mailto:AJACS@biosciencedbc.jp)

TEL： 03-5214-8491（月-金）

## 個人情報の取り扱いについて

1. 収集した個人情報は、NBDCにおけるウェブサイトその他のサービスの提供、サービス内容の向上、及び今後NBDCの関連情報を提供するために利用します。その他、「独立行政法人等の保有する個人情報の保護に関する法律」において、許される範囲に於いて、個人情報を利用又は提供することがあります。
2. 取得した個人情報を適切に管理し、個人情報の漏洩、滅失、き損、紛失、不正アクセス、不正利用等の防止に努めます。ただし、統計的に処理された当サイトのアクセス情報、利用者属性等、個人が特定できない情報については、公表することがあります。

# 担当者の情報

|  |  |
| --- | --- |
| 所属 |  |
| 氏名 |  |
| 氏名（かな） |  |
| 職位 |  |
| メールアドレス |  |
| 電話番号 |  |

# 講習会の概要について

|  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| 開催予定会場の名称 | |  | | | | |
| 開催予定会場の住所 建物名・階数までお願いします | |  | | | | |
| 希望する講習会形式 | ハンズオン形式（PC操作あり）／座学のみの講演形式（PC操作なし） | | | | | |
| 参加人数（見込み） |  | | 人 | 会場の定員 |  | 人 |
| 外部参加者の受け入れ 不可の場合は、理由をお書きください。 | | | | 可／不可 | | |
| 希望する講習会の長さ | | | | 半日／1日／2日／その他（〇時間など） | | |
| 開催希望時期 原則として、2019年5月、6月、7月、11月、12月、2020年1月の平日からお選びください。これ以外の日程をご希望の場合はご相談ください。その他、NBDCが参加する行事等のために開催できない日もありますので、なるべく幅を持たせてご指定ください。 | | | |  | | |

## ハンズオン形式をご希望の場合、以下の3問にもお答えください。

|  |  |
| --- | --- |
| PC設置 | あり（参加者は会場のPCを使う）／ なし（参加者は各自PCを持参する） |
| PC端末のスペック PC設置「あり」の場合は、PCのスペック（OS、メモリ等）をわかる範囲で教えてください。 |  |
| 会場のネットワーク環境 無線・有線の区別、ネットワーク回線速度、ゲストアカウントが発行可能か等、わかる範囲で教えてください。 |  |

# 講習会の内容について

|  |  |
| --- | --- |
| 応募動機 なぜ講習会を開催したいのか、講習会全体のテーマ、講習会を通じて参加者に達成してほしい目標などについて、400字から1000字程度で自由にお書きください。 |  |
| 想定される受講者の属性 専門分野・職業・関心・前提とできる知識と知らないことなどをお書きください。 |  |

|  |  |
| --- | --- |
| 希望する内容 希望する項目にチェックを入れてください。  ご関心のある項目を組み合わせてプログラムを構成します。  1項目の所要時間は、ハンズオン形式 約90分／講演形式 約60分 です。 | NBDCの紹介とNBDCが提供するサービス（必須）  データベースカタログ、横断検索、アーカイブ、RDFポータル、NBDCヒトデータベース、TogoVarなど  データベースの使い方  ゲノムデータベース（DDBJ、PGDBj、MicorbeDB、HGVDなど）  遺伝子発現データベース（GEO、RefEx、ChIP-Atlas、AOE、DBKEROなど）  次世代シーケンスデータベース（DRA、DBCLS SRAなど）  タンパク質立体構造データベース（PDBj、BMRBなど）  プロテオーム関連データベース（jPOSTなど）  糖鎖関連データベース（GlyTouCanなど）  化合物データベース（PubChem、KEGG MEDICUSなど）  パスウェイデータベース（KEGG PATHWAYなど）  メタボローム関連データベース（MassBank、KNApSAcK Familyなど）  画像データベース（SSBDなど）  文献データベース（PubMed、Allie、PubAnnotation、TogoDocなど）  解析ツールの使い方  配列解析ツール（Blast、ClustalW、統合遺伝子検索GGRNA、高速塩基配列検索GGGenome､CRISPRdirectなど）  ゲノムアノテーションツール（MiGAPなど）  遺伝子発現解析ツール（DAVID、KaPPA-Viewなど）  メタボローム解析ツール（PowerGetなど）  データの可視化ツール（Cytoscapeなど） |
| 具体的な講習内容の希望 上記で選択した項目のうち特に重点を置きたいデータベースをお書きください。  その他講習内容についてリクエストがあればお書きください。 |  |

|  |  |
| --- | --- |
| 本募集を何で知りましたか？ | NBDCウェブサイト／NBDCメルマガ／ちらし／DBCLSウェブサイト／その他ウェブサイト／その他メルマガ／SNS（Twitter等）／先生・上司・知人（等）に勧められて／その他 |

以上です。回答に漏れがないか確認のうえ、メールにてお送りください。