**「統合データベース講習会：AJACS」
受入れ機関応募フォーム**

2019年度「統合データベース講習会：AJACS」受入れ機関に応募される方は、

必ず「『統合データベース講習会：AJACS』受入れ機関の募集についてよくある質問」（<https://events.biosciencedbc.jp/training/application/faq>）に目を通してください。

下記の**すべての項目**にご記入のうえ、個人情報の取り扱いについてをご一読いただき、
件名を**「2019年度AJACS受入れ機関応募」**として、
メールにて「統合データベース講習会」事務局までお送りください。

応募後1営業日以内に事務局からの応募完了メールが届かない場合は、
事務局までご連絡ください。

## 「統合データベース講習会」事務局

〒102-8666 東京都千代田区四番町5－3

国立研究開発法人科学技術振興機構　バイオサイエンスデータベースセンター内

E-mail： AJACS@biosciencedbc.jp

TEL： 03-5214-8491（月-金）

## 個人情報の取り扱いについて

1. 収集した個人情報は、NBDCにおけるウェブサイトその他のサービスの提供、サービス内容の向上、及び今後NBDCの関連情報を提供するために利用します。その他、「独立行政法人等の保有する個人情報の保護に関する法律」において、許される範囲に於いて、個人情報を利用又は提供することがあります。
2. 取得した個人情報を適切に管理し、個人情報の漏洩、滅失、き損、紛失、不正アクセス、不正利用等の防止に努めます。ただし、統計的に処理された当サイトのアクセス情報、利用者属性等、個人が特定できない情報については、公表することがあります。

# 担当者の情報

|  |  |
| --- | --- |
| 所属 |  |
| 氏名 |  |
| 氏名（かな） |  |
| 職位 |  |
| メールアドレス |  |
| 電話番号 |  |

# 講習会の概要について

|  |  |
| --- | --- |
| 開催予定会場の名称 |  |
| 開催予定会場の住所建物名・階数までお願いします |  |
| 希望する講習会形式 | ハンズオン形式（PC操作あり）／座学のみの講演形式（PC操作なし） |
| 参加人数（見込み） |  | 人 | 会場の定員 |  | 人 |
| 外部参加者の受け入れ不可の場合は、理由をお書きください。 | 可／不可 |
| 希望する講習会の長さ | 半日／1日／2日／その他（〇時間など） |
| 開催希望時期原則として、2019年5月、6月、7月、11月、12月、2020年1月の平日からお選びください。これ以外の日程をご希望の場合はご相談ください。その他、NBDCが参加する行事等のために開催できない日もありますので、なるべく幅を持たせてご指定ください。 |  |

## ハンズオン形式をご希望の場合、以下の3問にもお答えください。

|  |  |
| --- | --- |
| PC設置 | あり（参加者は会場のPCを使う）／なし（参加者は各自PCを持参する） |
| PC端末のスペックPC設置「あり」の場合は、PCのスペック（OS、メモリ等）をわかる範囲で教えてください。 |  |
| 会場のネットワーク環境無線・有線の区別、ネットワーク回線速度、ゲストアカウントが発行可能か等、わかる範囲で教えてください。 |  |

# 講習会の内容について

|  |  |
| --- | --- |
| 応募動機なぜ講習会を開催したいのか、講習会全体のテーマ、講習会を通じて参加者に達成してほしい目標などについて、400字から1000字程度で自由にお書きください。 |  |
| 想定される受講者の属性専門分野・職業・関心・前提とできる知識と知らないことなどをお書きください。 |  |

|  |  |
| --- | --- |
| 希望する内容希望する項目にチェックを入れてください。ご関心のある項目を組み合わせてプログラムを構成します。1項目の所要時間は、ハンズオン形式 約90分／講演形式 約60分 です。 | NBDCの紹介とNBDCが提供するサービス（必須）[x]  データベースカタログ、横断検索、アーカイブ、RDFポータル、NBDCヒトデータベース、TogoVarなどデータベースの使い方[ ]  ゲノムデータベース（DDBJ、PGDBj、MicorbeDB、HGVDなど）[ ]  遺伝子発現データベース（GEO、RefEx、ChIP-Atlas、AOE、DBKEROなど）[ ]  次世代シーケンスデータベース（DRA、DBCLS SRAなど）[ ]  タンパク質立体構造データベース（PDBj、BMRBなど）[ ]  プロテオーム関連データベース（jPOSTなど）[ ]  糖鎖関連データベース（GlyTouCanなど）[ ]  化合物データベース（PubChem、KEGG MEDICUSなど）[ ]  パスウェイデータベース（KEGG PATHWAYなど）[ ]  メタボローム関連データベース（MassBank、KNApSAcK Familyなど）[ ]  画像データベース（SSBDなど）[ ]  文献データベース（PubMed、Allie、PubAnnotation、TogoDocなど）解析ツールの使い方[ ]  配列解析ツール（Blast、ClustalW、統合遺伝子検索GGRNA、高速塩基配列検索GGGenome､CRISPRdirectなど）[ ]  ゲノムアノテーションツール（MiGAPなど）[ ]  遺伝子発現解析ツール（DAVID、KaPPA-Viewなど）[ ]  メタボローム解析ツール（PowerGetなど）[ ]  データの可視化ツール（Cytoscapeなど） |
| 具体的な講習内容の希望上記で選択した項目のうち特に重点を置きたいデータベースをお書きください。その他講習内容についてリクエストがあればお書きください。 |  |

|  |  |
| --- | --- |
| 本募集を何で知りましたか？ | NBDCウェブサイト／NBDCメルマガ／ちらし／DBCLSウェブサイト／その他ウェブサイト／その他メルマガ／SNS（Twitter等）／先生・上司・知人（等）に勧められて／その他 |

以上です。回答に漏れがないか確認のうえ、メールにてお送りください。